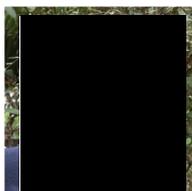


## INFORMAZIONI PERSONALI

## Andrea Tafuri



 [Redacted]

 [Redacted]

 [Redacted]

**LinkedIn:** <https://www.linkedin.com/in/andrea-tafuri-5998b6b9/>

**ORCID:** 0009-0000-9524-1752

**Scopus Author ID:** 58166224000

**ResearchGate:** [https://www.researchgate.net/profile/Andrea-Tafuri?ev=hdr\\_xprf](https://www.researchgate.net/profile/Andrea-Tafuri?ev=hdr_xprf)

Sesso M | Data di nascita [Redacted] | Nazionalità Italiana

## ESPERIENZA PROFESSIONALE

08 aprile 2024- 07 aprile 2025

**Assegnista di ricerca**

Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) Istituto di Biologia e Biotecnologia Agraria (IBBA), via Alfonso corti 12, 20133, Milano (MI)

**Attività principali:** mi sono occupando dello studio dell'architettura dell'apparato radicale in frumento duro. Lo studio mira a caratterizzare una popolazione di frumenti per approfondire le basi genetiche dello sviluppo radicale in risposta a diversi input di azoto e a micorrizzazione. In parallelo sono coinvolto nella genotipizzazione di una popolazione di frumento duro per lo studio e la ricerca di marcatori associati alla micorrizzazione.

**Tutor:** Dott. Raul Pirona (CNR-IBBA).

1 aprile 2023- 31 marzo 2024

**Assegnista di ricerca**

Università degli Studi della Tuscia (UNITUS) Dipartimento di Eccellenza di Scienze Agrarie e Forestali (DAFNE) e Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) Istituto di scienze delle produzioni alimentari (ISPA), CAMPUS UNIVERSITARIO, via provinciale Lecce-Monteroni- 73100 Lecce (LE)

**Attività principali:** il Progetto si pone l'obiettivo di studiare tre geni coinvolti nella biosintesi delle cere cuticolari, in particolare, in relazione a stress da siccità ed alte temperature. Per lo studio di questi geni mi sono occupato dell'applicazione della tecnologia CRISPR/Cas9 assemblando i vettori per ognuno dei geni da editare. Successivamente embrioni maturi/immaturo di due differenti varietà di frumento duro sono stati trasformati mediante infezione da *agro-batterio*. In parallelo mi sono occupato della caratterizzazione di 3 differenti linee (ed il relativo wild-type) di frumento tenero. Queste linee erano state in precedenza generate mediante TILLING e riportano ognuna una differente mutazione nel pathway di biosintesi dell'amido. Le linee descritte sono state messe in coltura liquida ed una volta ottenuta una coltura omogenea e stabile, si è proseguito con la caratterizzazione dei metaboliti secreti nel mezzo di crescita.

**Tutor:** Prof. Francesco Sestili (UNITUS), Dott.ssa Ermelinda Botticella (CNR-ISPA)

15 febbraio 2019- 31 ottobre 2019

**Borsista**

Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) centro di ricerca Genomica e Bioinformatica (GB), Via S. Protaso 302, 29017 San Protaso (PC)

**Attività principali:** durante questo periodo mi sono occupato dello studio dell'acclimatamento a basse temperature in piante di orzo. Lo scopo del nostro studio è stato lo studio in vivo degli effetti di tre differenti molecole individuate in studi precedenti: un miRNA, un suo interattore ed il suo target predetto. Per perseguire i nostri obiettivi, ci siamo occupati dell'editing del target del miRNA mediante CRISPR/Cas9. In aggiunta abbiamo over-espresso l'interattore ed il miRNA, per poter effettuare una buona caratterizzazione funzionale.

**Tutor:** Dott.ssa Cristina Crosatti (CREA-GB).

11 luglio 2018- 14 febbraio 2019

**Attività di ricerca volontaria**

Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) centro di ricerca Genomica e Bioinformatica (GB), Via S. Protaso 302, 29017 San Protaso (PC)

**Attività principali:** mi sono occupato della continuazione degli studi intrapresi durante la precedente esperienza lavorativa. Il focus degli studi è stato quello di testare l'interazione promotore/interattore e lo sviluppo di linee di orzo over-esprimenti il miRNA oggetto del nostro studio e deleti nel gene del suo target predetto.

**Tutor:** Dott.ssa Cristina Crosatti (CREA-GB).

11 luglio 2017- 10 luglio 2018

**Borsista**

Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) centro di ricerca Genomica e Bioinformatica (GB), Via S. Protaso 302, 29017 San Protaso (PC)

**Attività principali:** in questo periodo mi sono occupato del clonaggio del promotore del miRNA oggetto dello studio per lo studio mediante Y1H assay con l'obiettivo di individuarne gli interattori. Parte del lavoro da me svolto è stato eseguito presso il Laboratorio Nacional de Genómica para la Biodiversidad (LANGEBIO), Centro de Investigación y de Estudios Avanzados del Instituto Politécnico Nacional (CINVESTAV- IPN), (Irapuato, Guanajuato, Mexico), dove ho trascorso 10 mesi occupandomi della messa a punto e l'utilizzo dell'Y1H. Ho inoltre collaborato con i membri del laboratorio per la messa a punto di un protocollo di isolamento di protoplasti per la verifica dell'interazione proteina-proteina ottenute mediante Y2H.

**Tutor:** Dott.ssa Cristina Crosatti (CREA-GB), Dott.ssa Raffaella Battaglia (CREA-GB), Prof. Stefan de Folter (LANGEBIO)

**ESPERIENZA PROFESSIONALE  
ALL'ESTERO**

Gennaio 2022- maggio 2022

**Rothamsted Research (Harpenden, Hertfordshire, AL5 2JQ)**

**Attività principali:** mi sono occupato, in collaborazione con i membri del laboratorio, della messa a punto di un protocollo per la trasformazione di linee di frumento duro per il trasferimento di vettori per l'editing genetico (CRISPR/Cas9).

**Tutor:** Prof. Nigel G. Halford (Rothamsted Research), Dr Caroline Sparks (Rothamsted Research).

settembre 2017- giugno 2018

**Laboratorio Nacional de Genómica para la Biodiversidad (LANGEBIO), Centro de Investigación y de Estudios Avanzados del Instituto Politécnico Nacional (CINVESTAV-IPN), (Irapuato, Guanajuato, Mexico)**

**Attività principali:** mi sono occupato della messa a punto e dell'applicazione del sistema Yeast One-Hybrid. Ho anche collaborato con altri membri del laboratorio per sviluppare un protocollo per l'isolamento dei protoplasti dalle foglie di tabacco per la validazione in vitro dei risultati del test Yeast Two-Hybrid.

**Tutor:** Prof. Stefan de Folter (LANGEBIO), Dott.ssa Cristina Crosatti (CREA-GB), Dott.ssa Raffaella Battaglia (CREA-GB).



## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

1 novembre 2019 – 31 gennaio 2023

**Dottorato di ricerca europeo\***

8

## Scienze delle produzioni animali e vegetali

Università degli Studi della Tuscia (UNITUS) Dipartimento di Eccellenza di Scienze Agrarie e Forestali (DAFNE).

*Lavoro di dottorato svolto prevalentemente presso Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR) Istituto Biologia e Biotecnologia Agraria (IBBA), via Alfonso corti 12, 20133, Milano (MI)*

**Attività principali:** Il Progetto di dottorato si poneva come obiettivo quello di studiare la variabilità genetica in frumento duro e tenero in relazione all'accumulo di asparagina libere nel seme. A tale scopo sono stati condotte tre diverse attività:

- Frumento duro: uno studio GWAS utilizzando una popolazione di 201 individui (maggioranza landraces) per l'identificazione di determinanti genetici associati all'accumulo di asparagina libera nel seme;
- Frumento tenero: screening di varietà commerciali per il contenuto di asparagina libera nel seme con l'obiettivo di individuare genotipi a basso contenuto e con fenotipo stabile attraverso anni e ambienti da utilizzare per programmi di breeding;
- Frumento duro: editing del gene *TdASN2*, asparagina sintetasi peculiare del seme, con l'obiettivo di ridurre i livelli di asparagina libera nel seme senza intaccare la fisiologia della pianta

Durante il periodo di dottorato ho acquisito competenze relative alla gestione di campi sperimentali (disegno sperimentale, semina, cura delle piante, fenotipizzazione, raccolta, analisi dei dati di campo). Inoltre, ho acquisito competenze nell'utilizzo di software per la gestione di dati genomici (es. TASSEL5) e linguaggi di programmazione (R) essenziali allo svolgimento delle attività di ricerca.

**Titolo della tesi:** 'Exploring variability in free asparagine content to reduce the acrylamide-forming potential of wheat grain'.

**Tutor:** Dott. Aldo Ceriotti (CNR-IBBA), Dott.ssa Elena Baldoni (CNR-IBBA), Dott. Stefano Ravaglia (SIS), Prof.ssa Stefania Masci (UNITUS), Prof. Francesco Sestili (UNITUS)

\*Dottorato industriale co-finanziato da CNR-IBBA e SIS (Società Italiana Sementi). Titolo onorifico Doctor Europaeus.

Ottobre 2014 – aprile 2017

**Laurea Magistrale**

7

## Biotecnologie mediche, veterinarie e farmaceutiche LM-09

Università degli studi di Parma (UNIPR)

Lavoro di tesi svolto presso Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) centro di ricerca Genomica e Bioinformatica (GB), Via S. Protaso 302, 29017 San Protaso (PC)

**Attività principali:** il lavoro di tesi si poneva l'obiettivo di individuare miRNA di orzo modulati a basse temperature. Il lavoro di tesi prevedeva sequenziamenti NGS e successiva validazione mediante qRT-PCR dei miRNA differenzialmente espressi in genotipi con diversa tolleranza a freddo e disposti a diversi regimi termici.

**Titolo della tesi:** 'Barley miRNAome in response to low temperatures'

**Tutor:** Prof. Magliani Valter (UNIPR), Dott.ssa Crosatti Cristina (CREA-GB)

Ottobre 2010 – settembre 2014

**Laurea Triennale**

6

## Biotecnologie L-02

Università degli studi di Parma (UNIPR)

Lavoro di tesi svolto presso Consiglio per la ricerca in agricoltura e l'analisi dell'economia agraria (CREA) centro di ricerca Genomica e Bioinformatica (GB), Via S. Protaso 302, 29017 San Protaso (PC)

**Attività principali:** durante il periodo di tesi mi sono occupato dello studio dei miRNA modulati nell'interazione nesto-portainnesto in vite, acquisendo competenze nell'ambito delle tecniche di biologia molecolare quali estrazione di RNA da tessuti vegetali e tecniche basate su qRT-PCR sia con tecniche quali la preparazione di library di small-RNA per NGS.

**Titolo della tesi:** ‘Study of microRNA involvement in rootstock-scion interaction in Vitis Vinifera with next-generation sequencing technology’

**Tutor:** Prof. Maestri Elena (UNIPR), Dr. Mica Erica (CREA-GB), Dr. Bernardo Letizia (CREA-GB)

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiana

Altre lingue	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Inglese	C1	C1	C1	C1	C1
Spagnolo	B2	B2	B2	B2	B1

Livelli: A1/A2: Utente base - B1/B2: Utente intermedio - C1/C2: Utente avanzato  
[Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue](#)

Competenze comunicative

- possiedo buone competenze comunicative acquisite durante la mia esperienza nel mondo della ricerca, partecipando a numerosi congressi e workshop durante i quali ho avuto la possibilità di esporre i miei studi e di presentare i miei risultati in contesti nazionali ed internazionali.

Competenze organizzative e gestionali

- competenze organizzative e gestionali acquisite durante tutta la carriera e nello specifico durante i periodi svolti all'estero.
- Estrazione e manipolazione degli acidi nucleici (RNA-DNA), produzione di cDNA, preparazione librerie a cDNA, assemblaggio e preparazione di plasmidi per differenti utilizzi (genome editing, espressione, ecc.), tecniche di colture cellulari (protoplasti, batteri, lieviti, calli di cereali come frumento e orzo), RACE (Rapid Amplification of cDNA Ends), sequenziamento Sanger, sequenziamento NGS, PCR, touch-down PCR, Real Time PCR, microscopia ottica, CRISPR/Cas9, genotyping TaqMann assay.
- Gestione e cura di campi e dati sperimentali
- Utilizzo del linguaggio di programmazione R per:
  1. Grafica e plot
  2. Disegno sperimentale dei campi
  3. Analisi statistiche
  4. Analisi genomiche
  5. Manipolazione e analisi sequenze di acidi nucleici e proteiche
- Utilizzo di software specifici quali TASSEL5, MegaX, GeneiousPrime, SnapGene, Vector-NTI e software similari

Competenze digitali

AUTOVALUTAZIONE				
Elaborazione delle informazioni	Comunicazione	Creazione di Contenuti	Sicurezza	Risoluzione di problemi
Avanzato	Avanzato	Avanzato	Avanzato	Avanzato

Livelli: Utente base - Utente intermedio - Utente avanzato  
[Competenze digitali- Scheda per l'autovalutazione](#)

- Buona padronanza degli strumenti della suite per ufficio (elaboratore di testi, foglio elettronico, software di presentazione)
- Buona padronanza dei programmi per l'elaborazione digitale delle immagini

- Altre competenze
- Superamento esame di stato per lo svolgimento della professione del Biologo (attualmente non iscritto all'albo).
  - Tutoraggio del tirocinio di tesi triennale dello studente Marco Libanore (Università Milano-Bicocca).

Patente di guida B

## ULTERIORI INFORMAZIONI

## Pubblicazioni

1. Zombardo A., Crosatti C., Bagnaresi P., Bassolino L., Reshef N., Puccioni S., Faccioli P., Tafuri A., Delledonne M., Fait A., Storchi P., Cattivelli L., Mica E., 2020. Transcriptomic and biochemical investigations support the role of rootstockscion interaction in grapevine berry quality. BMC Genomics 21:468. <https://doi.org/10.1186/s12864-020-06795-5>
2. Tafuri A., Zuccaro M., Ravaglia S., Pirona R., Masci S., Sestili F., Lafiandra D., Ceriotti A., Baldoni E., 2023. Exploring Variability of Free Asparagine Content in the Grain of Bread Wheat (*Triticum aestivum* L.) Varieties Cultivated in Italy to Reduce Acrylamide-Forming Potential. Plants 12, 1349. <https://doi.org/10.3390/plants12061349>
3. Covino C., Tafuri A., Sorrentino A., Masci S., Baldoni E., Sestili F., Villalonga R., Masi P., 2024. Mitigation of acrylamide formation in wood oven baked pizza base using wheat grain with low free asparagine content. Journal of the Science of Food and Agriculture. <https://doi.org/10.1002/jsfa.13289>
4. Tafuri A., Pirona R., Fricano A., Gasser M., Mazzucotelli E., Maret E., Cagliani L. R., Ravaglia S., Consonni R., Thomas A., Ceriotti A., Gilardi F., Baldoni E., 2025. Integrated GWAS and metabolomic analyses identified metabolic pathways and candidate genes involved in free asparagine accumulation in durum wheat grain. Food chemistry. <https://doi.org/10.1016/j.foodchem.2025.144393>

## Conferenze

1. **Poster communication** at 62<sup>nd</sup> SIGA Annual Congress: Tafuri A., Mica E., Giusti L., Faccioli P., Battaglia R., Masiero S., Cattivelli L., Crosatti C. "Identification and functional characterization of barley miR397a regulated during cold acclimation". 25<sup>th</sup>-28<sup>th</sup> September Verona. (allegato 24)
2. **Poster communication** at 63<sup>rd</sup> SIGA Annual Congress: Rossi R., Michelotti M., Mica E., Crosatti C., Masiero S., Cornaro L., Baslam M., Tafuri A., Battaglia R. 'Sugar transport in barley, the role of the SWEET4 gene'. 10<sup>th</sup>-13<sup>th</sup> September 2019 Naples.
3. **Poster communication** at Plant Biology Europe 2021: Tafuri A., Pirona R., Ceriotti A., Ravaglia S., Giordano M., Cagliani L. R., Consonni R., Gasser M., Thomas A., Gilardi F., Rhogayeh N., Mazzucotelli E., Baldoni E. "Exploring variability in free asparagine content to reduce acrylamide-forming potential of durum wheat seeds". 28<sup>th</sup> June-1<sup>st</sup> July 2021 On-line congress.
4. **Poster communication** at 64<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: Pirona R., Tafuri A., Accotto G. P., Fricano A., Ravaglia S., Giordano M., Marian D., Matic S., Marra M., Vaira A. M., Mazzucotelli E., Rhogayeh N., Ceriotti A., Baldoni E. "Exploiting the potential of Global Durum Panel for plant and human health". 14<sup>th</sup>- 16<sup>th</sup> September 2021. On-line congress. (allegato 25)
5. **Poster communication** at 64<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: Cominelli E., Baldoni E., Bernasconi A., Bernasconi M., Cagliani L. R., Capobianco A., Ceriotti A., Consonni R., Dougué K. R., Ferron L., Galasso I., Genga A., Libanore M., Liberatore C., Locatelli F., Mattana M., Pappalardo V., Pedrazzini E., Pirona R., Pozzo S., Ravasio N., Spatola F., Tafuri A., Zaccheria F., Zuccaro M., Sparvoli F. "sPATIALS3 project: improvement of primary productions for a healthier diet". 14<sup>th</sup>-16<sup>th</sup> September 2021. On-line congress. (allegato 26)
6. **Poster communication** at 13<sup>th</sup> International Barley Genetics Symposium: Crosatti C., Tafuri A., Battaglia R., Gazzetti K., Guerra D., Mica E., Cattivelli L. "The miRNA397a/laccase regulatory module control kernel size and shape in barley". 3<sup>rd</sup>-7<sup>th</sup> July 2022, University of Latvia, Riga, Latvia.
7. **Poster communication** at New Phytologist "Next generation scientists 2022": Tafuri A., Pirona R., Ceriotti A., Zuccaro M., Ravaglia S., Giordano M., Cagliani L.R., Consonni R., Fricano A., Mazzucotelli E., Baldoni E.

- "Genome wide association study of free asparagine content in durum wheat grain". 19<sup>th</sup>- 22<sup>nd</sup> July 2022, Delta Centre, Tartu, Estonia.
8. **Poster communication** at 65<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: Crosatti C., Tafuri A., Battaglia R., Gazzetti K., Guerra D., Mica E., Cattivelli L. "The miRNA397a/laccase regulatory module control kernel size and shape in barley". 6<sup>th</sup>-9<sup>th</sup> September 2022, Università Cattolica del Sacro Cuore, Piacenza, Italy. (allegato 27)
  9. **Poster communication** at 65<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: Tafuri A., Pirona R., Ceriotti A., Zuccaro M., Ravaglia S., Giordano M., Cagliani L. R., Consonni R., Fricano A., Mazzucottelli E., Baldoni E. "Genome wide association study of free asparagine content in durum wheat grain". Awarded with one of the prizes for best posters communications. 6<sup>th</sup>-9<sup>th</sup> September 2022, Università Cattolica del Sacro Cuore, Piacenza, Italy. (allegato 28)
  10. **Poster communication** at 4<sup>th</sup> From Seed to Pasta congress Pirona R., Tafuri A., Marra M., Fricano A., Ravaglia S., Mazzucottelli E., Matic S., Accotto G., Ceriotti A., Baldoni E. "Exploiting the potential of Global Durum Panel for plant and human health". 26<sup>th</sup>-28<sup>th</sup> October 2022, Conference Center Emilia-Romagna Region, Bologna, Italy.
  11. **Poster communication** at Plant & Animal Genome Conference 2023: Crosatti C., Michelotti V., Tafuri A., Gazzetti K., Guerra D., Cattivelli L., Mica E., Battaglia R. "Identification and functional characterization of key genes influencing yield potential in barley".
  12. **Poster communication** at 66<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: Tafuri A., Palombieri S., Santino A., Mita G., Sestili F., Botticella E. "Enhancing drought tolerance in durum wheat targeting epicuticular waxes content through Genome Editing". (allegato 29)
  13. **Poster communication** at 66<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: Tafuri A., Palombieri S., Sestili F., Mita G., Botticella E. "Exploring the Potential of Cell Suspension Cultures in Wheat: Investigating the Impact of Starch Mutants on Growth and Metabolism". (allegato 30)
  14. **Oral communication** at 64<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: **Crosatti C\***, Michelotti V., Tafuri A., Gazzetti K., Rossi R., Migliorini C., Guerra D., Cattivelli L., Mica E., Battaglia R. "Identification and functional characterization of key genes influencing yield potential in barley". 14<sup>th</sup>-16<sup>th</sup> September 2021. On-line congress.
  15. **Oral communication** at Acrylamide reduction in foods, from plant breeding to food processing Congress. **Tafuri A.\***, Pirona R., Ceriotti A., Ravaglia S., Giordano M., Cagliani L. R., Consonni R., Gasser M., Thomas A., Gilardi F., Rhogayeh N., Mazzucottelli E., Baldoni E. "Genome wide association study of free asparagine content in durum wheat grain". 23<sup>rd</sup>-24<sup>th</sup> May 2022; Discovery Park, Kent, UK.
  16. **Oral communication** at 66<sup>th</sup> SIGA Annual Congress: Tafuri A., Pirona R., Fricano A., Mazzucottelli E., Cagliani L. R., Gasser, Giordano M., Zuccaro M., Ravaglia R., Consonni R., Thomas A., Gilardi F., Ceriotti A., **Baldoni E.\*** 'Metabolic characterization of durum wheat grain for association studies: exploring the natural variation of free asparagine content'.
  17. **Oral communication** at 8<sup>th</sup> CESH (Cereal & Europe Spring Meeting): **Tafuri A.\***, Ceriotti A., Ravaglia S., Masci S., Sestili F., Lafiandra D., Messia M. C., Covino C., Sorrentino A., Masi P., Baldoni E. 'Exploring variability in free asparagine seed content in bread wheat (*Triticum aestivum* L.) elite varieties to reduce acrylamide-forming potential'. Zagreb 10<sup>th</sup>-12<sup>th</sup> April 2024.
  18. **Oral communication** at 4<sup>th</sup> ACRYRED Webinar. **Tafuri A.\***, Pirona R., Ceriotti A., Ravaglia S., Masci S., Sestili F., Fricano A., Mazzucottelli E., Lafiandra D., Messia M. C., Covino C., Sorrentino A., Masi P., Baldoni. 'Exploring variability in free asparagine content to reduce the acrylamide-forming potential of wheat grain'. 15<sup>th</sup> October 2024.

\*: presenting author

#### Riconoscimenti e premi

1. Mobility grant per la partecipazione al '8<sup>th</sup> Cereals & Europe Spring Meeting 2024' erogato dalla COST-ACTION CA21149 ACRYRED

## Curriculum Vitae

Andrea Tafuri

2. Ottenimento del titolo di **'Doctor Europaeus'** in data 19 luglio 2023.
3. Ottenimento di uno dei premi SIGA (Società Italiana di Genetica Agraria) come miglior presentazione poster con il lavoro dal titolo **'Genome wide association study of free asparagine content in durum wheat grain'** durante il 65° Siga Annual Congress tenutosi a Piacenza (PC) dal 6 al 9 settembre 2022.
4. Mobility grant per la partecipazione alla **'PlantED-AAB training school on communicating the science of GE crops'** erogato dalla COST-ACTION CA18111 PlantED
5. Mobility grant per la partecipazione al **'New Phytologist next-generation scientists 2022'** erogato dal New Phytologist journal
6. Borsa di studio CIB (Consorzio Interuniversitario per le Biotecnologie) per lo svolgimento di un periodo di formazione all'estero di 5 mesi (gennaio 2022)

## Appartenenza a gruppi / associazioni

1. Membro SIGA (Società Italiana di Genetica Agraria) dal settembre 2024
2. Membro ACRYRED COST-ACTION CA21149 dal 16/01/2023
3. Membro PlantED COST- ACTION CA18111 dal 04/04/2022
4. Membro AAB (Association of Applied Biology) per l'anno 2022

## Corsi

1. **'Tecniche di ingegneria genetica e proteica abbinata alle produzioni animali e vegetali'** presso UniTus tenuto dalla Prof.ssa Laura Bertini. Giugno 2021.
2. **'Statistica Avanzata con R'** presso UniTus tenuto dal Prof. Bruno Bellisario. Giugno 2021.
3. **'Statistica Base con R'** presso UniTus tenuto dal Prof. Bruno Bellisario. Giugno 2021.
4. **'Novel strategies to accelerate crop improvement'** presso UniMi (Milano, MI) tenuto dal Prof. Jose Gutierrez-Marcos
5. **'Statistical learning and deep learning: theoretical background and hands-on sessions'** presso CNR-IBBA (Milan, MI) tenuto dal Dott. Stefano Biffani e dal Dott. Filippo Biscarini. 30-31 gennaio 2023.
6. **'AAB-PlantED training school on communicating the science of GE crops'** presso Rothamsted Research (Harpenden, UK). 28-29 aprile 2022.
7. **'Wheat Genetics and Genomics workshop'** presso il CREA-GB (Fiorenzuola d'Arda, PC) tenuto dal Dott. Assaf Diestefeld e dal Dott. Hanan Sela. 23-24 giugno 2022.
8. **'Genomica: tecnologie avanzate'** presso UniMi (Milano, MI) organizzato da FISV 25-26 gennaio 2024.
9. **'Advanced technologies in single cell omics'** presso UniMi (Milano, MI) organizzato da FISV 4-5 febbraio 2025.

## Certificazioni

1. Attestato di attività scientifica svolta presso il CREA-GB nel periodo 2016-2018.
2. Superamento dell'esame di stato per lo svolgimento della professione di Biologo in data 28/09/2020
3. Attestato attività scientifica condotta presso Rothamsted Research (UK) nel periodo gennaio-maggio 2022

**Dati personali:** Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali"

